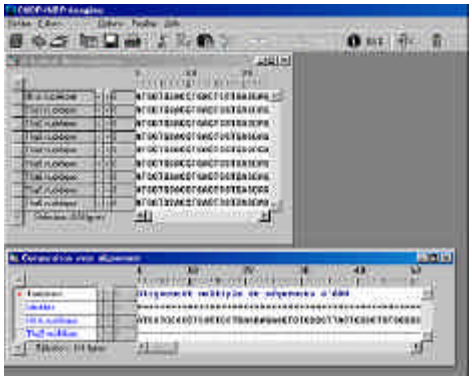
Mode d'emploi simplifié du Logiciel ANAGENE

Logiciel ANAGENE 1.8 – © INRP/CNDP

Objectif du logiciel

Anagène est un logiciel d'analyse de séquences nucléiques et protéiques. Outre les molécules intégrées au logiciel, *Anagène* peut ouvrir et importer divers types de fichiers tels que les images, les vidéos, les textes et les pages HTML.



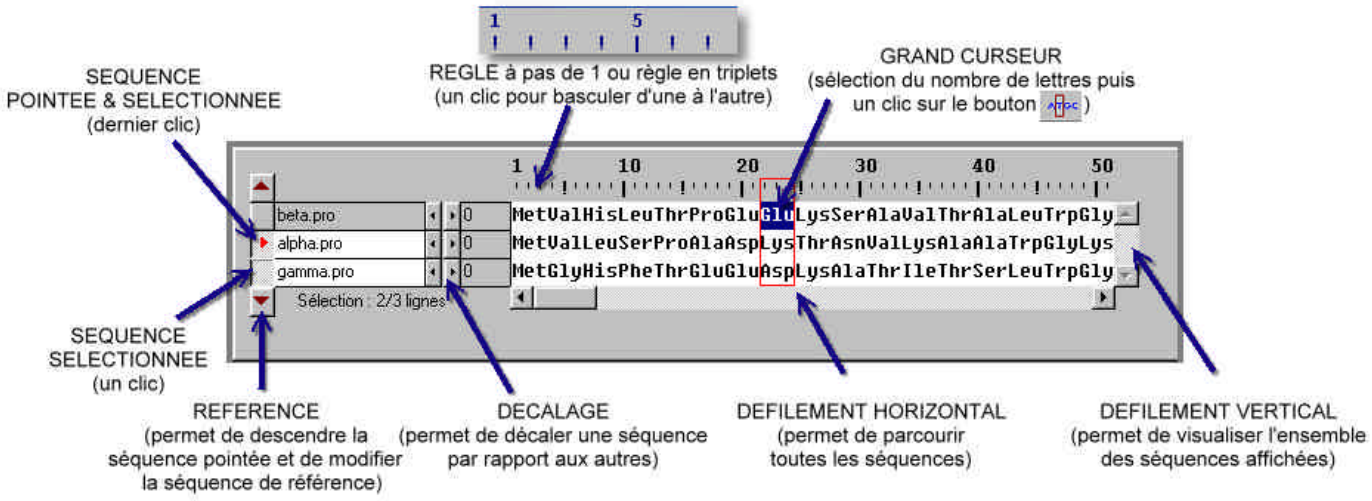
LES ASTUCES

	Il est possible de sélectionner plusieurs ressources en utilisant les touches CTRL et SHIFT
	Permet en particulier d'obtenir des informations sur les traitements effectués
	Le classeur permet de sauvegarder temporairement ses traitements

---------- La barre d'outils ----------

Accès aux ressources		Sauvegarde		Edition des sélections		Traitements des séquences		Autres	
	Banque de séquences		Accès au classeur		Couper		Convertir (transcription, traduction)		Information sur l'objet pointé
	Thèmes d'études		Enregistrer		Copier	ATGC -C--	Comparer	AUG	Code génétique
	Programmes & documents		Imprimer		Coller		Enzymes de restriction	ATGC	Grand curseur
					Supprimer				Fermeture de toutes les fenêtres

---------- Actions dans les sous-fenêtres ----------


SEQUENCE POINTEE & SELECTIONNEE (dernier clic)
REGLE à pas de 1 ou règle en triplets (un clic pour basculer d'une à l'autre)
GRAND CURSEUR (sélection du nombre de lettres puis un clic sur le bouton ATGC)
1 10 20 30 40 50
beta.pro
alpha.pro
gamma.pro
MetValHisLeuThrProGluGluLysSerAlaValThrAlaLeuTrpGly
MetValLeuSerProAlaAspLysThrAsnValLysAlaAlaTrpGlyLys
MetGlyHisPheThrGluGluAspLysAlaThrIleThrSerLeuTrpGly
Sélection : 2/3 lignes
SEQUENCE SELECTIONNEE (un clic)
REFERENCE (permet de descendre la séquence pointée et de modifier la séquence de référence)
DECALAGE (permet de décaler une séquence par rapport aux autres)
DEFILEMENT HORIZONTAL (permet de parcourir toutes les séquences)
DEFILEMENT VERTICAL (permet de visualiser l'ensemble des séquences affichées)